

Interaction:

ในการศึกษา clinical trial ยาสมุนไพรชนิดที่ชื่อ herbs A (ต่อไปจะเรียกว่า ht group) เทียบกับ placebo ในการลดระดับ LDL เนื่องจาก participants ส่วนหนึ่งใช้ statin อยู่ จึงต้องการหาว่ามี "synergistic" ในการลด LDL ระหว่าง ht กับ statin หรือไม่

หรืออีกนัยหนึ่ง "การใช้หรือไม่ใช้ statin มีผลทำให้ "effect" ของ herbs A ต่อระดับ LDL แตกต่างกัน กล่าวคือ statin เป็น "effect modifier" (อีกชื่อของ interaction) ของ herbs ต่อ LDL หรือไม่

เราสามารถดูแบบแผนๆ ได้

```
. table ht statins, contents(mean ldlch)
```

random assignment to hormone therapy	use of statin	
	no	yes
placebo	-5.894632	-2.91579
herbs A therapy	-24.42815	-13.28753

<- สังเกตว่าในกลุ่ม herbs มีผลลด LDL แตกต่างกัน

Concept 1: Interaction ต้องสร้าง Product term

```
. gen statinht = statins*ht.
```

```
. reg ldlch statins ht statinht
```

Source	SS	df	MS	Number of obs =	2597
Model	197600.198	3	65866.7326	F(3, 2593) =	58.25
Residual	2932194.28	2593	1130.81152	Prob > F =	0.0000
Total	3129794.48	2596	1205.62191	R-squared =	0.0631
				Adj R-squared =	0.0621
				Root MSE =	33.628

ldlch	Coef.	Std. Err.	t	P> t	[95% Conf. Interval]
statins	2.978842	1.901594	1.57	0.117	-.7499543 6.707639
ht	-18.53352	1.675653	-11.06	0.000	-21.81927 -15.24776
statinht	8.161779	2.720817	3.00	0.003	2.826585 13.49697
_cons	-5.894632	1.188171	-4.96	0.000	-8.224491 -3.564773

เราสามารถใช่วิธีอื่นที่รวดเร็วกว่าขึ้น ด้วยการ fit ด้วย i.modifier##i.predictor

หมายเหตุ i. นำหน้า variable ที่เป็น categorical

c. นำหน้า variable ที่เป็น continuous

. reg ldlch i.statins##i.ht

Source	SS	df	MS	Number of obs = 2597		
-----+-----				F(3, 2593) = 58.25		
Model	197600.198	3	65866.7326	Prob > F = 0.0000		
Residual	2932194.28	2593	1130.81152	R-squared = 0.0631		
-----+-----				Adj R-squared = 0.0621		
Total	3129794.48	2596	1205.62191	Root MSE = 33.628		

ldlch	Coef.	Std. Err.	t	P> t	[95% Conf. Interval]	
-----+-----						
1.statins	2.978842	1.901594	1.57	0.117	-0.7499543	6.707639
1.ht	-18.53352	1.675653	-11.06	0.000	-21.81927	-15.24776
statins#ht						
1 1	8.161779	2.720817	3.00	0.003	2.826585	13.49697
cons	-5.894632	1.188171	-4.96	0.000	-8.224491	-3.564773

ตอนนี้แถวที่ 3 ในที่นี้คือ product term เพื่อทดสอบ effect modifier

p value ได้จากรทดสอบ เป็นของ null hypothesis คือไม่มี effect modification

จากตัว อย่างนี้ p = 0.003 จึง reject null hypothesis สรุปว่า statin น่าจะเป็น effect modifier ของ ht คอ LDL

อย่าลืมว่าต้องมี ## เพราะถ้าใส่ # อันเดียว จะเหมือนการ fit ด้วย categorical predictor ธรรมดา

. reg ldlch i.statins#i.ht

Source	SS	df	MS	Number of obs = 2597		
-----+-----				F(3, 2593) = 58.25		
Model	197600.198	3	65866.7326	Prob > F = 0.0000		
Residual	2932194.28	2593	1130.81152	R-squared = 0.0631		
-----+-----				Adj R-squared = 0.0621		
Total	3129794.48	2596	1205.62191	Root MSE = 33.628		

ldlch	Coef.	Std. Err.	t	P> t	[95% Conf. Interval]	
-----+-----						
statins#ht						
0 1	-18.53352	1.675653	-11.06	0.000	-21.81927	-15.24776
1 0	2.978842	1.901594	1.57	0.117	-0.7499543	6.707639
1 1	-7.392894	1.949993	-3.79	0.000	-11.21659	-3.569194
_cons	-5.894632	1.188171	-4.96	0.000	-8.224491	-3.564773

แถว 3 ในที่นี้กลายเป็น category 3

p value เป็นของ null hypothesis ว่า category3 นี้ ldlch ไม่ต่างจาก reference gr (คือ 00 ไม่ใช่ทั้ง herbs และ statin)

Concept 2: Baseline effect + Product term effect = subgroup analysis

ในกรณี coef ก็คือ "effect" ของปัจจัยต่อการลด LDL

ถ้า 18.5 คือ effect ของ herbs ต่อการลด LDL ในกลุ่มผู้ "ไม่ใช้" statin

แล้ว effect ของ herbs ต่อการลด LDL ในกลุ่มผู้ใช้ statin ะ? ตอนนี้เป็นจะเป็นการนำ coef ของ product term มาใช้

```
. lincom 1.ht + 1.statins#1.ht
```

```
( 1) 1.ht + 1.statins#1.ht = 0
```

ldlch	Coef.	Std. Err.	t	P> t	[95% Conf. Interval]
(1)	-10.37174	2.143603	-4.84	0.000	-14.57508 -6.168391

ผลคือ 10.37 (เท่ากับคิดในใจจากตารางด้านบน -18.53 + 8.16) เป็น effect ของ herbs ต่อการลด LDL ในกลุ่มผู้ใช้ statin ซึ่งแปลว่า Effect ล้นกว่า

แปลแบบเต็มๆ คือ..

ในกลุ่มผู้ไม่ใช้ statin: การใช้ herbs มีผลลด LDL 18.53 เมื่อเทียบกับการไม่ใช้ herbs

ในกลุ่มผู้ใช้ statin : การใช้ herbs มีผลลด LDL 10.37 เมื่อเทียบกับการไม่ใช้ herbs

สังเกตว่าค่า coef ของ product term = 0 นั่นคือไม่มี interaction : "effect" ของ ht ในกลุ่มผู้ใช้ statin และ ไม่ใช้ statin มีค่าเท่ากัน

เช่นเดียวกัน ค่า 2.97 คือ effect ของ statin ต่อการลด LDL ในกลุ่มผู้ไม่ใช้ Herbs

แล้ว effect ของ statin ต่อการลด LDL ในกลุ่มผู้ใช้ Herbs ก็หาได้จาก

```
. lincom 1.statins + 1.statins#1.ht
```

```
( 1) 1.statins + 1.statins#1.ht = 0
```

ldlch	Coef.	Std. Err.	t	P> t	[95% Conf. Interval]
(1)	11.14062	1.945967	5.72	0.000	7.324816 14.95643

ผลคือ 11.14 (=2.97 + 8.16) เป็น effect ของ statin ต่อ การลด LDL ในกลุ่ม ผู้ใช้ herbs อ่อนลง ทำไม ? ตรงนี้คือ อี งต๊ัง สติไหนดี ณ ขณะนี้เรา อี งการ "ลด" LDL นั่นคือยัง คิดลบมากยิ่งดี แปลแบบเต็มๆ คือ..

ในกลุ่ม ผู้ไม่ใช้ Herbs : การใช้ statin มีผลลด LDL 2.98 "ได้น้อยกว่า" เมื่อเทียบกับการไม่ใช้ statin

ในกลุ่ม ผู้ใช้ Herbs : การใช้ statin มีผลลด LDL 11.14 "ได้น้อยกว่า" เมื่อเทียบกับการไม่ใช้ statin

(หมายถึง นาย ก. และ นาย ข. ต่างก็ใช้ Herbs นาย ก. ซึ่งใช้ statin ลด LDL 10 นาย ข. ซึ่งไม่ใช้ statin ลด 21.14)

.....

Concept 3 : Interaction ใน continuous variable ควร Centering และ categorized

เราสามารถใช่วิธีพื้นฐานในการทดสอบ **interaction** ได้เหมือนกัน แต่จะมีปัญหาในการตีความ ยกตัวอย่าง

```
. regress sbp glucose bmi glucosebmi
```

sbp	Coef.	Std. Err.	t	P> t	[95% Conf. Interval]
glucose	.274853	.0534465	5.14	0.000	.1700537 .3796523
bmi	.9605177	.2085822	4.60	0.000	.5515243 1.369511
glucosebmi	-.0073418	.0017137	-4.28	0.000	-.0107021 -.0039816
_cons	100.7322	6.261295	16.09	0.000	88.45487 113.0095

0.27 คือ mean SBP ที่เพิ่มขึ้น ในทุก 1 unit ของ blood glucose เมื่อ BMI = 0?

0.96 คือ mean SBP ที่เพิ่มขึ้น ในทุก 1 unit ของ bmi เมื่อ blood glucose = 0 ?

0.007 คือ mean SBP ที่เพิ่มขึ้น ในทุก 1 unit ของ bmi ในกลุ่มผู้ที่ blood glucose ไม่เท่ากับ 0?

การ **Centering** คือ การปรับจุด "อ้างอิง" ของ **continuous data** แทนที่จะเป็น 0 ให้เป็นค่ากลาง หรือค่าของคนส่วนใหญ่ (ใครจะมี BMI 0?) เช่น mean หรือ median หรือ significant clinical cutpoint value

```
. sum bmi
```

Variable	Obs	Mean	Std. Dev.	Min	Max
bmi	2758	28.57925	5.517783	15.21	54.13

จะได้ว่า mean ของ bmi คือ 28.6

```
gen cbmi = bmi-28.6
```

```
gen cglucose = glucose-126
```

```
gen cglucose_cbmi = cglucose* cbmi
```

```
. regress sbp glucose cbmi cglucose_cbmi
```

sbp	Coef.	Std. Err.	t	P> t	[95% Conf. Interval]
cglucose	.0648764	.0106964	6.07	0.000	.0439026 .0858501
cbmi	.035446	.0701359	0.51	0.613	-.1020782 .1729702
cglucose_c~i	-.0073418	.0017137	-4.28	0.000	-.0107021 -.0039816
_cons	136.3774	.4109187	331.88	0.000	135.5717 137.1831

0.06 คือ mean SBP ที่เพิ่มขึ้น ในทุก 1 unit ของ blood glucose ในผู้ที่ BMI = 28.6
 0.03 คือ mean SBP ที่เพิ่มขึ้น ในทุก 1 unit ของ bmi ในผู้ที่ blood glucose = 126
 0.007 คือ mean SBP ที่เพิ่มขึ้น ในทุก 1 unit ของ bmi ในกลุ่มผู้ที่ blood glucose ไม่เท่ากับ 126
 เราสรุปได้ว่ามี Interaction โดยดูที่ p value ของ product term < 0.01 แต่แปลผลอะไรไม่ได้มากกว่านั้น

หากเราต้องการให้ interaction นำไปสู่ subgroup analysis ในกรณีในตัวแปรเป็น continuous การแบ่งเป็นกลุ่มที่มีหรือไม่มีเท่าค่า centering ไม่ให้ข้อมูลอะไรนัก เราควร categorized เช่นเราอยากรู้ effect ของ BMI ต่อ SBP แยกตามกลุ่ม blood glucose -> normal,IFG,DM

```
. recode glucose min/99=1 100/125=2 126/max=3, gen(dmgrp)
. label define dmgrpvals 1 "normal" 2 "IFG" 3 "diabetes"
. label values dmgrp dmgrpvals
. tab dmgrp
```

(mg/dl))	Freq.	Percent	Cum.
normal	1,332	48.21	48.21
IFG	700	25.33	73.54
diabetes	731	26.46	100.00
Total	2,763	100.00	

ตอนนี้เราสามารถวิเคราะห์แยกตามกลุ่ม

```
. reg sbp i.dmgrp##c.cbmi
```

sbp	Coef.	Std. Err.	t	P> t	[95% Conf. Interval]
dmgrp					
2	3.31619	.8950856	3.70	0.000	1.561083 5.071297
3	8.081379	.9335075	8.66	0.000	6.250933 9.911825
cbmi	.1896834	.1060169	1.79	0.074	-.0181973 .397564
dmgrp#c.cbmi					
2	-.0342154	.1690438	-0.20	0.840	-.3656809 .2972501
3	-.4930951	.1610166	-3.06	0.002	-.8088208 -.1773694
_cons	132.4312	.54383	243.52	0.000	131.3648 133.4975

แต่อย่าลืมว่า การแปลผลในกรณี **effect modifier** เป็น **categorical predictor** หากเราต้องการทดสอบ **heterogeneity** ต้องใช้ **F test**

```
. testparm dmgrp#c.cbmi
( 1)  2.dmgrp#c.cbmi = 0
( 2)  3.dmgrp#c.cbmi = 0
      F(  2,  2752) =    5.37
      Prob > F =    0.0047
```

P จาก F test <0.01 คือมี **heterogeneity** หรือมี **Interaction term**

ต่อไปเราก็สามารถทำ **subgroup analysis** ได้ตามใจต้องการด้วย **lincom** เช่น

กรณีอยากแบ่ง **subgroup** ตาม category ก็เลือกเปลี่ยน i ตามที่สนใจ

```
. lincom cbmi + 3.dmgrp#c.cbmi
( 1)  cbmi + 3.dmgrp#c.cbmi = 0
-----
      sbp |      Coef.   Std. Err.      t    P>|t|     [95% Conf. Interval]
-----+-----
      (1) |   -0.3034117   .121189   -2.50   0.012   -0.5410424   -0.065781
-----
```

0.303 เป็น SBP ที่ลดลง ต่อทุก **bmi** ที่เพิ่ม 1 หน่วยจาก **26.8** ในคนที่ เป็น **DM (dmgrp 3)**

กรณีแบ่ง **subgroup** ตามค่าของ **continuous** ต้องทราบไวยากรณ์เพิ่มอีกนิดคือ

K*i.catvar#c.var <- k คือค่าของ **continuous** ที่เราต้องการ

```
. lincom 3.dmgrp + 30*3.dmgrp#c.cbmi
( 1)  3.dmgrp + 30*3.dmgrp#c.cbmi = 0
-----
      sbp |      Coef.   Std. Err.      t    P>|t|     [95% Conf. Interval]
-----+-----
      (1) |   -6.711473   4.80789   -1.40   0.163   -16.13891    2.715964
-----
```

6.71 เป็น SBP ที่คนเป็น **dm (dmgrp3)** ต่างจากคนไม่เป็น **dm (dmgrp1=Reference)** ในคนที่ **BMI = 30**

เมื่อวิเคราะห์เต็มรูปแบบด้วยการใช้คำสั่ง **loop** จะได้ผลดังต่อไปนี้

(**dmgroup** กลุ่มแรก ผลเป็น **omit** เนื่องจากมีจำนวนคนในกลุ่มนี้น้อยเกินไป)

```
. forvalues cbmi = 20(5)35 {
2. lincom 1.dmgrp + `cbmi'*1.dmgrp#c.cbmi
3. }
```

(1) 1b.dmgrp + 20*1b.dmgrp#co.cbmi = 0

sbp	Coef.	Std. Err.	t	P> t	[95% Conf. Interval]	
(1)	(omitted)					

(1) 1b.dmgrp + 25*1b.dmgrp#co.cbmi = 0

sbp	Coef.	Std. Err.	t	P> t	[95% Conf. Interval]	
(1)	(omitted)					

(1) 1b.dmgrp + 30*1b.dmgrp#co.cbmi = 0

sbp	Coef.	Std. Err.	t	P> t	[95% Conf. Interval]	
(1)	(omitted)					

(1) 1b.dmgrp + 35*1b.dmgrp#co.cbmi = 0

sbp	Coef.	Std. Err.	t	P> t	[95% Conf. Interval]	
(1)	(omitted)					

```
. forvalues cbmi = 20(5)35 {
2. lincom 2.dmgrp + `cbmi'*1.dmgrp#c.cbmi
3. }
```

(1) 2.dmgrp + 20*1b.dmgrp#co.cbmi = 0

sbp	Coef.	Std. Err.	t	P> t	[95% Conf. Interval]	
(1)	3.31619	.8950856	3.70	0.000	1.561083	5.071297

(1) 2.dmgrp + 25*1b.dmgrp#co.cbmi = 0

sbp	Coef.	Std. Err.	t	P> t	[95% Conf. Interval]	
(1)	3.31619	.8950856	3.70	0.000	1.561083	5.071297

(1) 2.dmgrp + 30*1b.dmgrp#co.cbmi = 0

sbp	Coef.	Std. Err.	t	P> t	[95% Conf. Interval]	
(1)	3.31619	.8950856	3.70	0.000	1.561083	5.071297

(1) 2.dmgrp + 35*1b.dmgrp#co.cbmi = 0

sbp	Coef.	Std. Err.	t	P> t	[95% Conf. Interval]	
(1)	3.31619	.8950856	3.70	0.000	1.561083	5.071297

```
. forvalues cbmi = 20(5)35 {
2. lincom 3.dmgrp + `cbmi'*1.dmgrp#c.cbmi
3. }
```

(1) 3.dmgrp + 20*1b.dmgrp#co.cbmi = 0

sbp	Coef.	Std. Err.	t	P> t	[95% Conf. Interval]	
(1)	8.081379	.9335075	8.66	0.000	6.250933	9.911825

(1) 3.dmgrp + 25*1b.dmgrp#co.cbmi = 0

sbp	Coef.	Std. Err.	t	P> t	[95% Conf. Interval]	
(1)	8.081379	.9335075	8.66	0.000	6.250933	9.911825

(1) 3.dmgrp + 30*1b.dmgrp#co.cbmi = 0

sbp	Coef.	Std. Err.	t	P> t	[95% Conf. Interval]	
(1)	8.081379	.9335075	8.66	0.000	6.250933	9.911825

(1) 3.dmgrp + 35*1b.dmgrp#co.cbmi = 0

sbp	Coef.	Std. Err.	t	P> t	[95% Conf. Interval]	
(1)	8.081379	.9335075	8.66	0.000	6.250933	9.911825